## 微生物介导的铁氧化机制及应用研究进展

黄 强<sup>1,2</sup>,李 宝<sup>1,2</sup>,刘晓玲<sup>1</sup>,郭 圆<sup>1</sup>,王亚南<sup>1</sup>,郝立凯<sup>1,3,\*</sup>

(1.中国科学院地球化学研究所环境地球化学国家重点实验室,贵阳 550081;2.中国科学院大学,北京 100049;3.中国科学院第四纪科学与全球变化卓越创新中心,西安 710061)

摘 要:微生物介导的铁氧化过程是铁循环的重要组成部分。参与铁氧化过程的微生物主要是细菌和古菌,依据生长环境及 电子受体情况可将其分为四类:嗜酸铁氧化菌、中性微氧铁氧化菌、中性厌氧光合铁氧化菌和中性厌氧硝酸盐还原铁氧化菌。 铁氧化微生物驱动着环境中 C、N、O、S 等生源要素的元素地球化学循环。目前已经阐明的微生物铁氧化电子传递机制都有着 一个共同范式,即亚铁都是在外膜细胞色素上被氧化,细胞从亚铁获得电子,由细胞外膜经周质电子传递蛋白,而后传递至细 胞内膜各蛋白上,用于电子受体还原或固碳。现代环境中铁氧化微生物的研究已被广泛运用于地球早期生命演化研究、环境 污染修复、新材料合成及生物浸矿等领域。铁氧化菌的分离鉴定、铁氧化代谢途径及其地球化学效应的详细解析及铁氧化在 环境污染治理等方面还有大量的工作有待开展。

关键词:铁氧化微生物;电子传递机制;早期生命演化;生物修复

中图分类号: X142 文献标识码: A 文章编号: 1672-9250(2023)03-0363-13 doi: 10.14050/j. cnki. 1672-9250. 2022. 50. 123

作为生命必需的营养元素,铁在生命活动过程 中扮演着至关重要的角色。例如,含铁元素的铁血 红素(heme)是细胞色素(Cytochrome)的关键结构 成分之一<sup>[1]</sup>。铁还可作为电子供体参与微生物的 铁氧化代谢,而这类利用亚铁作为电子供体的微生 物称为铁氧化微生物。对铁氧化微生物的研究最 早可追溯至19世纪中叶[2]。由铁氧化微生物介导 的铁氧化过程是环境中铁循环的重要组成部分。 铁氧化微生物在自然环境中具有强大的生态适应 性,它们能够利用亚铁、光、氢气、硝酸盐或有机物 等作为其能源物质[3]。在酸性矿山废水、沼泽湿 地、土壤、淡水和海水环境、以及热液喷口处均发现 有这类微生物的活动足迹[4-5]。近年来,以高通量 测序技术与生物信息学技术为基础的现代分子生 物学技术加速了学界对铁氧化微生物系统发生学、 生态学以及铁氧化机理的理解,促进了其在地质 学、地质生物学、环境科学、材料学和冶金学等研究 领域中的应用。

正如 de Wit 和 Bouvier<sup>[6]</sup>、Baas-Becking<sup>[7]</sup>所提

出的"Everything is everywhere but environment selects",环境理化参数决定该环境中生物群落组成。 同理,铁的赋存状态、溶解度和氧化还原电位等地 球化学性质决定环境中铁的生物可利用性,从而决 定相关环境中铁氧化菌的种类和丰度。本文从铁 的地球化学性质出发,综合讨论了铁氧化微生物的 多样性、铁氧化电子传递机制及其应用。

## 1 铁的地球化学特征

铁是地球上储量最多的金属元素,在地壳元素 中,其丰度排名第四。据报道,沉积岩中铁的平均 含量为5%~6%<sup>[8]</sup>,含铁量最高的条带状铁建造 (Banded Iron Formation,BIF)中铁含量可达28%<sup>[9]</sup>。

铁的氧化还原电位介于 C、N、P、S 等元素之间, 环境中铁元素常以氧化物、硫化物、碳酸盐矿物(菱 铁矿)、磷酸盐矿物及硅酸盐矿物等形式赋存于岩 石或土壤中<sup>[8,10]</sup>。自然环境中,铁多以 Fe(Ⅱ)和 Fe(Ⅲ)存在,这两种价态铁的存在形态、分布和比 例,很大程度上取决于环境的理化参数,如酸碱度、

收稿日期: 2022-04-12; 改回日期: 2022-07-26

**基金项目:**国家自然科学基金面上项目(41877400);国家重点研发计划课题(2018YFC1802601);中国科学院科研启动经费(2017-020);中国 科学院 B 类战略性先导专项课题(XDB40020300)。

**第一作者简介:**黄 强(1998-),男,硕士研究生,主要研究方向为环境微生物地球化学。E-mail: huangqaing2@ mail. gyig. ac. cn.

<sup>\*</sup> 通讯作者: 郝立凯(1980-),男,博士,研究员,研究方向为微生物铁循环微观机制与环境适应策略,重金属微生物地球化学。E-mail: haolikai @ mail.gyig.ac.cn.

含氧量、氧化还原电位、有机和无机络合配体 等<sup>[11-12]</sup>。由于分子氧在自然环境中普遍存在,大多 数 Fe(II)的氧化几乎都是由氧气介导的非生物氧化 过程。例如,水体中存在大量分子氧时,游离态 Fe(II)被迅速氧化(速率约8.4 mg/min)为 Fe(III)而 沉淀。这也是为什么尽管地球上铁丰度较高,但陆 地水体及海水却处于铁限制的地球化学背景的重 要原因<sup>[13]</sup>。一般而言,分子氧介导的溶液态 Fe(II) 氧化的速率(-(d[Fe(II)])/dt)由氧浓度 ([O<sub>2</sub>])、亚铁浓度([Fe(II)])、质子浓度 ([H<sup>+</sup>])与温度等多个参数共同决定<sup>[5,14-15]</sup>:

$$-\frac{d[\operatorname{Fe}(\mathrm{II})]}{dt} = \frac{\mathbf{k} \cdot [\mathrm{O}_2] \cdot [\operatorname{Fe}(\mathrm{II})]}{[\mathrm{H}^+]^2} \quad (1)$$

式中,系数 k 为温度依赖型的速率常数,20 ℃ 时该 速率常数为 3×10<sup>12</sup> mol /(min·L)。

在中性富氧环境中, Fe(Ⅱ)可被迅速地氧化为 Fe(Ⅲ)。在中性微氧或缺氧环境中, Fe(Ⅱ)可长期较 为稳定的以可溶离子态的形式存在, Fe(Ⅲ)则可与 水发生水合作用形成水铁矿(FeOOH)而沉淀。在 酸性环境中, Fe(Ⅱ)或 Fe(Ⅲ)常以可溶态的形式存 在, Fe(Ⅱ)的氧化速度较慢(速率约8.4×10<sup>-10</sup> mg/min)<sup>[16]</sup>。但是, 当环境中出现大量的有机或无 机络合配体时, Fe(Ⅱ)或 Fe(Ⅲ)可通过与配体形成 络合物而改变其溶解性。相对于中性富氧环境, 中 性微氧、中性缺氧或酸性环境中 Fe(Ⅱ)的非生物氧 化过程较为缓慢, 使得利用 Fe(Ⅱ) 作为其电子供体 的微生物能够在其中有效地生存和繁殖, 这些微生 物介导的铁氧化过程构成了此类环境中铁循环的 重要部分<sup>[5,11,17]</sup>。

## 2 铁氧化微生物的多样性

基于微生物分类学,铁氧化微生物主要分布于 古菌的广古菌门(Euryarchaeota)和泉古菌门(Crenarchaetoa),细菌的(Alpha -、Beta -、Gamma -、 'Zeta-')变形菌门(Protobacteria)、放线菌门(Actinobacteria)、厚壁菌门(Firmicutes)、绿菌门(Chlorobi)、嗜酸菌门(Acidophiles)和硝化螺菌门(Nitrospirae)<sup>[5]</sup>。依据铁氧化微生物的生存环境条件和代谢 方式等特征,可分为嗜酸铁氧化菌(Acidophilic aerobic Fe(II)-oxidizers)、中性微氧铁氧化菌(Neutrophilic microaerobic Fe(II)-oxidizers)、中性厌氧光合 铁氧化菌(Anaerobic phototrophic Fe(II)-oxidizers) 和中性厌氧硝酸盐还原铁氧化菌(Nitrate-reducing Fe(Ⅱ)-oxidizers)四类<sup>[3,17]</sup>。

#### 2.1 嗜酸铁氧化菌

嗜酸铁氧化菌通常生存于酸性生境(pH 为 1.0~4.0),如酸性浸出物、酸性矿山废水(AMD)、 深海热液和热泉等富含铁、硫及其他金属元素的环 境。嗜酸铁氧化菌主要归属于古菌的广古菌门和 泉古菌门,以及细菌的(Alpha-、Beta-、Gamma-)变 形菌门、放线菌门、厚壁菌门、嗜酸菌门和硝化螺菌 门。(Alpha-、Beta-)变形菌门、嗜酸菌门和硝化螺菌 门。(Alpha-、Beta-)变形菌门、嗜酸菌门和硝化螺菌 门。(Alpha-、Beta-)变形菌门、嗜酸菌门和硝化螺菌 门。(Alpha-、Beta-)变形菌门、嗜酸菌门和硝化螺菌 门。(Alpha-、Beta-)变形菌门、嗜酸菌门和硝化螺菌 个。或线菌的生存多以单质 S 或 Fe(II)为电子供 体,以氧气(O<sub>2</sub>)、硫酸盐(SO<sub>4</sub><sup>2-</sup>)或硝酸盐(NO<sub>3</sub><sup>-</sup>)为 电子受体,并以有机碳或无机碳为碳源。酸性环境 中生物可利用的 Fe(II)稳定存在,因此,铁氧化微生 物可以轻松地与氧气介导的非生物氧化过程竞争 获得 Fe(II)。酸性铁氧化菌以 Fe(II)为电子供体、 氧气为电子受体的生长过程可表示为:

 $4Fe^{2+} + 4H^{+} + 0_{2} \rightarrow 4Fe^{3+} + 2H_{2}0$  (2)

第一株酸性铁氧化菌 Acidithiobacillus ferrooxidans 由 Colmer 及其同事于 1947 年分离<sup>[19]</sup>。目前 已有包括 Acidithiobacillus ferrooxidans、A. ferrivorans、 Thiobacillus prosperus、Leptospirillum ferroxidans、L. ferriphilum 等在内的数种酸性铁氧化菌被分离并得到 进一步研究<sup>[18]</sup>,其在环境修复和生物浸矿领域已有 广泛地研究和应用<sup>[20-22]</sup>。

#### 2.2 中性微氧铁氧化菌

中性微氧铁氧化菌同样可以 Fe(II) 为电子供体、 $O_2$  为电子受体,并以有机碳或无机碳为碳源维持其生长。所不同的是,这类微生物通常分布于  $O_2$  浓度远低于空气( $O_2 < 50 \ \mu mol/L$ )的土壤、氧化还原分层水体中的有氧-无氧交互界面、植物根际土壤、地下水渗流带、海底沉积物及其它氧气浓度较低的中性环境中。

目前已知的中性微氧铁氧化菌隶属于 Beta-变 形杆菌纲和'Zeta-'变形杆菌纲,前者主要存在于淡 水环境<sup>[23-24]</sup>,后者主要存在于海水环境<sup>[10,25]</sup>,它们 可形成微生物席(microbial-mat)以营造适宜的生长 化学梯度<sup>[10,26-28]</sup>,提高其生存能力。这类微生物胞 外具有螺旋柄状(twisted stalks)、发瓣状或鞘状结构 的典型特征<sup>[29-30]</sup>,该特征已成为识别这类微生物的 重要标志<sup>[27,31]</sup>。在氧浓度较低的中性及近中性条 件下,Fe(II)的非生物氧化速率较低,微生物介导的 铁氧化过程处于主导地位。淡水环境培养实验表 明,微氧铁氧化菌对低氧浓度环境中铁的氧化贡献 达40%~50%,最高甚至可达75%<sup>[26-27,32]</sup>。以化能 自养微氧铁氧化菌为例,其介导的Fe(II)氧化过程 可表示为:

 $4\mathrm{Fe}^{^{2^{+}}}+\mathrm{O}_{2}+10\mathrm{H}_{2}\mathrm{O}\rightarrow4\mathrm{Fe}(\mathrm{OH})_{3}\downarrow +8\mathrm{H}^{^{+}}(\mathrm{3})$ 

中性微氧铁氧化菌 Gallionlla ferruginea 最早于 1836 年被 Ehrenberg 发现,直到 20 世纪才首次获得 纯化分离<sup>[33]</sup>。改进的微生物培养方法提出后<sup>[34]</sup>, 如包括 Gallionella、Leptothrix、Mariprofundus 和 Ghiorsea 菌目在内的多种铁氧化微生物获得分离<sup>[10]</sup>。 目前,中性微氧铁氧化菌的研究主要集中在分离纯 化新菌、探究铁氧化电子传递路径以及作为地质微 生物探索其在早期或现代地球环境中的作用等 方向<sup>[10,27]</sup>。

#### 2.3 中性厌氧光合铁氧化菌

中性厌氧光合铁氧化菌可定殖于淡水、海水、 沼泽湿地和土壤沉积物等富含 Fe(II)的浅表层透光 环境,是重要的初级生产者。环境中厌氧光合铁氧 化菌包括 Gamma-变形菌纲中的紫色硫细菌(Purple Sulfur Bacteria, PSB)、Alpha-变形菌纲中的紫色非 硫细菌(Purple Non-Sulfur Bacteria, PNSB)和绿菌门 中的绿硫菌(Green Sulfur Bacteria, GSB)<sup>[4,10]</sup>。中性 厌氧光合铁氧化微生物代谢方式具有多样性,除 Fe(II)外,还可利用  $H_2$  或  $H_2S$  作为电子供体,以有 机碳或无机碳作为电子受体进行生长繁殖<sup>[4,35]</sup>。厌 氧光合铁氧化菌是厌氧环境中重要的初级生产 者<sup>[36]</sup>,其以光为能源、以 Fe(II)作为电子供体、以碳 酸盐或二氧化碳作为电子受体营化能自养生长时 的代谢过程可表示如下。

 $4\mathrm{Fe}^{2^{+}} + \mathrm{HCO}_{3}^{-} + 10\mathrm{H}_{2}\mathrm{O} + \mathrm{light}\,(\,\mathrm{hv}\,) \rightarrow$ 

 $\langle CH_2 O \rangle + 4Fe(OH)_3 \downarrow + 7H^+$  (4)

环境中的中性厌氧光合铁氧化微生物的首次 分离获得是由Widdel等<sup>[37]</sup>在20世纪末期完成的。 近30年已经在多种环境中分离纯化出众多的厌氧 光合铁氧化菌<sup>[4]</sup>,包括PSB中的Thiodycton sp. F4, PNSB中的Rhodobacter ferrooxidans SW2<sup>[38]</sup>、Rhodopseudomonas palustris TIE – 1、Rodovulum iodosum和 Rodovulum robiginosum等,和属于GSB的Chlorobium ferrooxidans KoFox、Chlorobium phaeoferrooxidans和 Chlorobium sp. N1等。研究证明,中性厌氧光合铁 养化微生物对不同的Fe(II)浓度、盐度、温度和光照 强度具有较强的适应性和耐受性<sup>[4,39-42]</sup>,因此它能 够在更广阔的生态位上生存,可能表明铁氧化微生 物是早期地球上潜在的生命形式。该类微生物是 研究地球早期生命与环境演化的重要模型<sup>[43-46]</sup>。

#### 2.4 中性厌氧硝酸盐还原铁氧还菌

中性厌氧硝酸盐还原铁氧化菌在黑暗和光照 环境中均可生存,在环境中的分布较为广泛,常存 在于淡水湖泊底泥、土壤沉积物、高盐环境、海底沉 积物和热液喷口等<sup>[47-51]</sup>。中性厌氧硝酸盐还原铁 氧化微生物在 Alpha-、Beta-、Gamma-、Delta-变形 菌门和放线菌门,以及古菌(如 *Ferroglobus placidus*<sup>[52]</sup>)中均有所分布<sup>[4]</sup>。中性厌氧硝酸盐还原铁 氧化菌是营化能厌氧(lithotrophic)生长的微生物, 可利用亚铁或有机物(如乙酸盐)作为电子供体,利 用硝酸盐作为电子受体进行生长繁殖。厌氧硝酸 盐还原铁氧化菌在氧化 Fe(II)的同时耦合  $NO_3^-$  还 原的过程可以表示为<sup>[4]</sup>:

 $10 \mathrm{Fe}^{2+} + 2 \mathrm{NO}_{3-} + 24 \mathrm{H}_2 \mathrm{O} \rightarrow$ 

 $10 \operatorname{Fe}(OH)_{3} \downarrow + N_{2} \uparrow + 18 \mathrm{H}^{+}$  (5)

该式产物中,除产生  $N_2$  外,还可产生  $NO_{\chi}N_2O$  等温室气体<sup>[4]</sup>。

20世纪90年代,环境中多株硝酸盐还原铁氧 化菌和富集培养物陆续获得分离<sup>[52-54]</sup>。依据硝酸 盐还原微生物介导铁氧化方式的不同,其可以被分 为三类<sup>[3-4,10]</sup>。第一类,仅以 Fe(II) 为电子供体产生 能量,以无机碳为碳源(营固碳作用)维持细胞生长 的自养型(Autotroph)硝酸盐还原铁氧化菌。迄今 为止,从环境中分离获得的自养硝酸盐还原铁氧化 菌均为富集培养物且只有三份:淡水沉积物中分离 到的富集培养物 KS(Enrichment culture KS)<sup>[55]</sup>、富 集培养物 BP (Enrichment culture BP)<sup>[56]</sup> 和一株从 地下水中富集到的纯培养物(未命名)<sup>[57]</sup>。第二 类,以 Fe(Ⅱ)为电子供体,同时需要额外添加有机物 (如乙酸盐)维持细胞生长的混合营养型(Mixtroph) 硝酸盐还原铁氧化菌。第三类,需添加有机物作为 电子供体、碳源和能源,微生物不直接氧化 Fe(Ⅱ), 而是以异养反硝化过程产生的活性氮中间产物(如 NO, 、N,O、NO 等) 实现 Fe(Ⅱ) 间接氧化的化能反硝 化菌(Chemodenitrifiers,如大肠杆菌)。而对于目前 分离纯化获得的厌氧硝酸盐还原铁氧化菌单菌株 则多介于第二类和第三类,两类微生物诱导铁矿化 时往往会导致其细胞结壳、生长受阻<sup>[4,58]</sup>。目前对 其的研究包括探究铁氧化机理及环境效应[4,56],以 及作为地质微生物研究其在早期地球环境演化中 的作用等<sup>[59-60]</sup>。

## 3 微生物铁氧化机制及其电子传递 路径

20世纪末, DNA 测序、基因芯片和质谱等技术 的推广应用深化了学界对环境中微生物介导的铁 氧化过程的认识[18,35,61-62]。在四类铁氧化微生物中 均发现潜在的铁氧化酶 Cyc2 的存在,表明 Cyc2 可 能是研究环境中微生物介导的铁氧化过程的重要 生物标志物。对微生物铁氧化机制的研究发现, Fe(Ⅱ)氧化多发生于外膜细胞色素(图 1),这与微 生物生理学及能量学相符<sup>[12]</sup>。从生理学及能量学 角度讲,若 Fe(Ⅱ)在微生物胞内或周质中被氧化,将 消耗微生物额外的能量。微生物需要将 Fe(Ⅲ)运出 胞外,以避免其在胞内或周质中沉淀而导致细胞死 亡[4,12]。一般而言,微生物铁氧化电子传递路径为  $Fe(II) \rightarrow 外膜细胞色素 \rightarrow 周质蛋白 \rightarrow 内膜(膜结)$ 合细胞色素以及所有终端细胞质膜氧化酶 → 电子 受体( $O_2$ 、 $NO_3$ 、 $H_2O$ 等),且符合 Ingledew 提出的电 子分叉原理<sup>[12,18,63-64]</sup>:微生物从 Fe(Ⅱ)获得的电子 除顺氧化还原电位(Downhill)流向电子受体外,部 分还将逆氧化还原电位(Uphill)传输至 NADH 脱氢 酶(Complex I)以产生 NADH 用于固碳或其他生命 活动,逆氧化还原电位的传递需要耗费相当的能量 才能顺利进行<sup>[12,65]</sup>。

## 3.1 酸性条件下微生物铁氧化机制及电子传递 路径

酸性条件下,微生物需要面对细胞内外巨大的 质子浓度差,而该类微生物通过在细胞膜上的 ATP 合酶(ATPase)可利用这一质子浓度差产生 ATP 以 维持其生命活动。目前,酸性铁氧化菌研究涉及到 的关键铁氧化酶主要有 Cyc 2<sup>[20,69]</sup>、Cyc 572<sup>[70-71]</sup>、 Cyt b573<sup>[72]</sup>、Sulfocyanin<sup>[73]</sup>和 FoxCD<sup>[74-75]</sup>等,它们均 位于细胞外膜<sup>[65]</sup>。以现阶段研究较多的酸性铁氧 化菌 Acidithiobacillus ferrooxidans 为例<sup>[20]</sup>(图 1a),电 子在细胞色素 Cyc2 从 Fe(II) 顺氧化还原电位传递 到 0, 的氧化过程为:  $Fe(II) \rightarrow Cyc2 \rightarrow Rus \rightarrow Cyc1$ → Cyt aa3 →  $O_2^{[20,66]}$ ;电子从 Fe(II) 逆氧化还原电 位传递至醌池以合成 NADH 的还原过程为:Fe(Ⅱ)  $\rightarrow$  Cyc2  $\rightarrow$  Rusticyanin  $\rightarrow$  Cyc A1  $\rightarrow$  bc<sub>1</sub> $\rightarrow$  Complex I→ NADH<sup>[20,66]</sup>:Acidithiobacillus ferrooxidans 细胞通 过调节铜蓝蛋白(Rusticvanin)分支上的电子流,实 现产生 NAD<sup>+</sup>以还原无机碳及还原 O, 二者间的 平衡<sup>[12]</sup>。

#### 3.2 中性微好氧微生物铁氧化机制及电子传递路径

中性铁氧化菌为避免细胞结壳,Fe(Ⅱ)极有可 能是在细胞外而不是细胞内或周质中被氧化[76]。 研究发现,几乎所有已分离的微氧铁氧化菌的基因 组中都存在编码细胞色素与孔蛋白的融合体—— Cyc2 的基因<sup>[61,67,76-79]</sup>,而且在培养环境富含铁时, 该基因维持较高的表达水平,并随着铁含量增加其 表达量上调<sup>[67]</sup>。最新研究证明, Cyc2 是介导胞外 铁氧化过程的关键铁氧化酶<sup>[80]</sup>,它们可能是指示环 境中铁氧化过程发生的重要生物标志物[10]。以近 年研究较完善的中性微氧铁氧化菌 'Zeta-'变形菌 纲的电子传递过程为例<sup>[25,67]</sup>(图 1b),其顺氧化还 原电位电子传递的氧化过程为:  $Fe(II) \rightarrow Cyc2 \rightarrow$ Cyc1(  $\oplus$  Cyt) → Cyt  $cbb_3($   $\oplus$  Cyt  $aa_3, Cyt$  bd-1) →  $O_2$ ;逆氧化还原电位的还原过程为:Fe(II)  $\rightarrow$  Cyc 2  $\rightarrow$ bc<sub>1</sub>( i ACIII ) Complex → Complex I → NADH<sup>[67]</sup>  $_{\circ}$ 与酸性铁氧化菌对比,该类菌或可通过调节氧化过 程中 Cyc1(或 Cyt) 处的电子流实现 NAD<sup>+</sup>及 O, 二 者还原和氧化间的平衡<sup>[67]</sup>。

## 3.3 中性厌氧光合微生物铁氧化机制及电子传递 路径

中性厌氧条件下,对光合铁氧化微生物介导的 铁氧化电子传递过程的研究较少,主要集中在 Rhodopseudomonas palustris TIE-1 和 Rhodobacter ferrooxidans SW2 两株菌上<sup>[4,10]</sup>。涉及到铁氧化的关键基 因是 Rhodopseudomonas palustris TIE-1 的 pio 操纵 子<sup>[81-82]</sup>和 Rhodobacter ferrooxidans SW2 中的 fox 操 纵子<sup>[83]</sup>,二者不同源。pio 操纵子的三个基因分别 编码的蛋白为:周质十血红素 C 型细胞色素的 PioA、外膜桶状蛋白 PioB 和周质高电势铁硫簇蛋白 PioC,其中 PioA 嵌入 PioB 构成一个嵌合体<sup>[81,83]</sup>。 fox 操纵子的三个基因分别编码蛋白:周质十血红素 C型细胞色素(也是潜在的铁氧化蛋白)FoxE<sup>[84-85]</sup>、 推测的醌蛋白 FoxY 和推测的周质电子传递蛋白 FoxZ<sup>[86]</sup>,对蛋白 FoxZ 的功能和定位目前尚不清楚, 尚需进一步研究。Rhodopseudomonas palustris TIE-1 和 Rhodobacter ferrooxidans SW2 的光合铁氧化过 程<sup>[4]</sup>(图 1c),顺氧化还原电位的电子传递途径为:  $Fe(II) \rightarrow PioA/PioB(FoxE) \rightarrow PioC/PoxY \rightarrow RC;$ 逆氧化还原电位的电子传递途径为: Fe(II) →  $PioA/PioB(FoxE) \rightarrow PioC/FoxY \rightarrow bc_1 Complex \rightarrow$ Complex I → NADH。事实上, 厌氧光合微生物其铁 氧化方式灵活多样,单一的电子传递模式无法囊括





微生物铁氧化机制及其电子传递路径

<u>\*</u>

所有厌氧光合铁氧化微生物的铁氧化过程<sup>[4]</sup>。例如,近期对远洋环境中分离的厌氧光合铁氧化菌 Chlorobium phaeoferrooxidans 的基因组研究发现,其 中存在编码外膜细胞色素 Cyc2 的相关基因<sup>[87-88]</sup>, 而细胞色素 Cyc2 在其他几类铁氧化微生物中均存 在,表明这几类铁氧化微生物间存在着某种潜在的 联系。对环境中厌氧光合铁氧化微生物机理及铁 氧化电子传递路径有待进一步研究。

# 3.4 中性厌氧硝酸盐还原微生物铁氧化机制及电子传递路径

近几年,关于硝酸盐还原的铁氧化微生物的 富集培养物的研究报道较多,对富集培养物 Culture KS 的基因组地研究发现,其中存在编码铁氧 化酶 Cyc2、细胞色素 C-孔蛋白复合物 MtoAB 和细 胞色素 C-孔蛋白复合物 PcoAB 基因的同系物,它 们可能均为铁氧化酶<sup>[68,89]</sup>。该类细胞的铁氧化途 径是,从 Fe(Ⅱ)处获得的电子经由外膜蛋白-周质 蛋白和内膜相关蛋白,进行固碳以及硝酸盐还原 等相关细胞生命活动。以化能自养硝酸盐还原铁 氧化菌 Gallionellaceae sp. 富集培养物为例(图 1d),其顺氧化还原电位还原硝酸盐的电子传递途 径氧化过程为 Fe(Ⅱ) → MtoAB → Cytc1/Cytc2 →  $Cytbc \rightarrow Nar \rightarrow NO_{3} \rightarrow bc_{1} \rightarrow Cytc \rightarrow NirS/K \rightarrow$ NO<sub>2</sub>;逆氧化还原电位产生还原力固碳的还原过程  $\beta$  Fe(II) → MtoAB → Cytc1/Cytc2 → bc1 complex → Complex I → NADH。需要说明的是,以有机物 作为共底物的混合营养型硝酸盐还原铁氧化菌的 亚铁氧化电子传递机制可能更为复杂。事实上, 这类硝酸盐还原铁氧化菌是否能进行亚铁的酶催 化氧化仍存争议[58,90-95]。迄今为止,还未发现任 何直接证据证明混合营养型硝酸盐还原铁氧化菌 中存在铁氧化酶,这类菌的铁氧化机制仍需进一 步的研究。

4 铁氧化微生物的应用

#### 4.1 铁氧化微生物在地球早期研究的作用

4.1.1 铁氧化微生物是探究早期生命演化的重要 模式生物

在地球诞生至大氧化事件(46~25亿年)的大部分时间里,海水总体上被低氧(低于十万分之一现今大气氧浓度)、富铁((0.4~1.2)×10<sup>-4</sup> mol/L)、贫硫的还原性环境所主导<sup>[96-100]</sup>。约32~29亿

年前,产氧光合微生物的出现使得大气氧含量逐步 升高,直到约24~23亿年前,以大气氧含量跃升为 标志的大氧化事件的发生[101-102]使得海水表层逐渐 被氧化。研究表明富含亚铁的铁化海洋可能在地 质历史时期一直存在[103-104]甚至短暂的主导海水化 学条件<sup>[99,105]</sup>。事实上,当下环境中仍然存在少量类 似的铁化水体[47,106-108]。地质时期长时间存在的富 铁水体为铁氧化菌的活动提供了丰富的生态位和 演化空间[105]。由铁氧化菌和铁还原菌共同驱动的 铁循环可能是地球早期主要的生物地球化学循环, 进一步带动了环境中 C、N、O、S 等元素的地球化学 循环<sup>[109-110]</sup>。现代环境中铁氧化微生物分布广泛、 门类众多、在各个生境中均有所发现[4-5,17],其极有 可能是地球早期铁氧化微生物环境适应的结 果<sup>[44,60]</sup>,因此现代环境中的铁氧化微生物是研究地 球早期生命演化的重要模式生物<sup>[59]</sup>。

4.1.2 微生物介导的铁氧化是解释前寒武条带状
 铁建造的成因的重要模型

环境中铁氧化微生物的研究为揭示地球早期 沉积的条带状铁建造(BIF)的成因提供了一个较为 合理的解释。条带状铁建造广泛分布于太古宙与 元古宙的多个时期,在新太古代和古元古代的沉积 达到巅峰(27~24 亿年)<sup>[111-112]</sup>。在对铁氧化微生 物开展研究前,对条带状铁建造成因的解释主要为 非生物作用,如热液成因、紫外线对铁的氧化作 用<sup>[111]</sup>、紫外线光解水产生氧气导致铁氧化<sup>[113]</sup>,以 及部分生物作用,即产氧光合生物产生的溶解氧进 行的化学氧化<sup>[114]</sup>。然而上述解释均被证明不能或 不足以满足地球早期 BIF 形成所需的三价铁沉积速 率<sup>[9,110,113]</sup>。随着更多环境中铁氧化微生物的不断 发现和分离,以及研究的不断推进,铁氧化微生物 可作为解释前寒武 BIF 形成的重要模型[9,110]: (1)产氧光合作用前,地球仍处于缺氧富铁贫硫的 环境,厌氧光合铁氧化微生物和厌氧硝酸盐还原铁 氧化微生物在早期地球铁的氧化沉积可能扮演着 重要角色[39,113,115-116];(2)产氧光合作用出现后,随 着大气和海洋的逐渐氧化,微氧铁氧化菌在这种微 氧条件下可能极大的促进了海水铁的氧化和 沉积<sup>[27,93]</sup>。

4.2 铁氧化微生物在现代生产生活中的应用

## 4.2.1 铁氧化微生物在氮、磷、硫以及重金属去除 中的应用

 $NO_3^-$ 、 $PO_4^{3-}$ 、 $SO_4^{2-}$ 以及重(类)金属等是现代环

境中较为常见的污染物,除运用已有的物理和化学 等污染修复手段,利用铁氧化微生物进行生物修复 也是解决这些问题的重要策略[117]。在环境重金属 的去除方面,与人工合成的吸附剂相比较,铁氧化 微生物矿化作用产生的(羟基)铁氧化物对重金属 具有更好的吸附性能,且能通过共沉淀作用最大限 度的去除环境中的重金属<sup>[118-121]</sup>。因此铁氧化微生 物有望成为土壤或水体环境中重金属污染生物修 复的重要材料。Katsoviannis 等<sup>[122]</sup>发现微生物铁氧 化产物能够有效吸附去除饮用水中的砷, Ahoranta 等[123]利用铁氧化微生物产生的黄钾铁矾实现对酸 性溶液中砷和铁的有效去除,表明铁氧化微生物物 在水处理中的广泛应用前景。在环境磷去除方面, 铁氧化微生物介导的成矿过程对磷酸盐具有较好 的共沉淀和吸附去除效能[32,119],可能是潜在的除磷 方法。例如, Buliauskaite 等<sup>[124]</sup>在 Leptothrix sp. 和 Gallionella sp. 对溶液中磷的去除实验中,发现其具 有较好的磷去除能力。在硫酸盐或硝酸盐污染修 复方面,铁氧化菌还被用于地下水和工业废水的硝 酸盐与硫酸盐等常规污染物质的生物去 除<sup>[58,125-127]</sup>。Jakus 等<sup>[57]</sup>发现从含黄铁矿的岩溶地 区分离到的厌氧硝酸盐还原铁氧化菌富集培养物 在贫有机质环境中良好的自养生长和硝酸盐还原 能力,这一发现表明该富集培养物在工业废水或岩 溶地区地下水硝酸盐污染去除的良好应用前景。 值得注意的是,以上铁氧化菌在环境污染的生物修 复研究仍停留在实验阶段,其离在环境中大规模应 用仍有差距。

#### 4.2.2 铁氧化微生物在合成新材料领域中的应用

微生物介导的生物矿化产物已在储能材料 领域中展现出较好的应用前景。前人发现革兰 氏阴性硝酸盐还原铁氧化菌 Acidovorax sp.的生 物矿化产物  $\gamma$ -FeOOH 经处理后具有良好的储能 性能。在该菌生物矿化过程中,铁氧化物( $\gamma$ -FeOOH)被限制在细菌细胞壁的的两层膜之间。 经高温加热处理后, $\gamma$ -FeOOH 被转化为具有细 菌形态的中空的多孔贝壳状结构的赤铁矿( $\alpha$ -Fe<sub>2</sub>O<sub>3</sub>)纳米晶体。这些晶体在与锂反应时表现 出更强的充放电的电化学可逆性。与相同尺寸 的非织构化  $\alpha$ -Fe<sub>2</sub>O<sub>3</sub>颗粒相比,其具有更高的反 应速率。这种细菌诱导的生物矿化合成策略为 电化学能量存储提供了一种高效和可扩展的方法<sup>[128]</sup>。此外,由趋磁细菌生物矿化作用所产生的磁铁矿纳米颗粒,由于其较窄的尺寸分布、统一的形态结构和较低的毒性,以及含有可防止颗粒外溢的生物膜等独特性质,使其在新材料领域颇受关注<sup>[129]</sup>。近期研究表明, Acidithiobacillus ferrooxidans 具有与趋磁细菌类似的功能,预示其 在该领域潜在的应用价值<sup>[130-131]</sup>。

#### 4.2.3 铁氧化微生物在生物浸矿中的应用

与非生物冶金技术相比,生物浸矿技术具有低 能耗、低成本和低环境危害性等特点,在金属回收 方面具有明显优势。铁氧化微生物在生物浸矿领 域有着较大的应用潜力,嗜酸铁氧化菌 Acidithiobacillus thiooxidans, Acidithiobacillus ferrooxidans, Leptospirillum ferrooxidans 等或其混合培养物已被用于从 金属贫矿<sup>[132</sup>、工厂二次废弃物<sup>[133]</sup>和电子废弃物(ewaste)<sup>[134-140]</sup>等回收贵金属的相关研究。利用酸性 铁氧化菌进行生物浸矿的研究主要集中于提升贵 金属浸出效率<sup>[138,140-141]</sup>,例如 Wei 等<sup>[138]</sup>应用直流 电场促进 Acidithiobacillus ferrooxidans 的生长,将电 子废弃物中的 Cu 的 100% 浸出时间由 5 天缩短至 3 天,大幅提升了铜的浸出效率。也有研究致力于使 用分子生物学技术实现贵金属元素选择性回收, Jung 等<sup>[142]</sup>利用基因编辑技术将多组氨酸(polyhistidine)附加在 Acidithiobacillus ferrooxidans 上的两个 内源重组表达蛋白上,发现细胞对钴和铜的结合能 力显著增强,且对钴有明显的结合偏好,从而使得 混和金属溶液中的贵金属选择性生物浸出成为 可能。

## 5 小结

迄今为止,对环境中的铁氧化微生物物种和 生态多样性、铁氧化机制和环境影响的研究已经 取得了较大的进展<sup>[3,10]</sup>。研究表明,铁氧化微生 物在酸性到中性环境中均有所分布,既有细菌也 有古菌,既可作为研究地球早期生命演化以及前 寒武条带状铁建造成因的微生物模型,也可作为 环境生物修复、新材料研发以及生物冶金的重要 生物资源。然而,环境中铁氧化微生物从细胞材 料、代谢机理和地球化学效应等方面的研究尚有 待完善。

#### 参考文献

- Das A, Hamel P P. Bioenergetics theory and components cytochrome c assembly [M]//Encyclopedia of Biological Chemistry III. Amsterdam: Elsevier, 2021: 94-107.
- [2] Ehrenberg. Vorläufige mittheilungen über das wirkliche vorkommen fossiler infusorien und ihre grosse verbreitung [J]. Annalen Der Physik Und Chemie, 1836, 114(5): 213-227.
- [3] Melton E D, Swanner E D, Behrens S, et al. The interplay of microbially mediated and abiotic reactions in the biogeochemical Fe cycle [J]. Nature Reviews Microbiology, 2014, 12(12): 797-808.
- [4] Bryce C, Blackwell N, Schmidt C, et al. Microbial anaerobic Fe(II) oxidation Ecology, mechanisms and environmental implications[J]. Environmental Microbiology, 2018, 20(10): 3462-3483.
- [5] Emerson D, Fleming E J, McBeth J M. Iron-oxidizing bacteria: An environmental and genomic perspective [J]. Annual Review of Microbiology, 2010, 64: 561-583.
- [6] de Wit R, Bouvier T. 'Everything is everywhere, but, the environment selects'; what did Baas Becking and Beijerinck really say? [J]. Environmental Microbiology, 2006, 8(4): 755-758.
- [7] Baas-Becking L G M. Geobiologie of inleiding tot de milieukunde [M]. Hague, Netherlands: WP Van Stockum & Zoon NV, 1934.
- [8] Stumm W, Sulzberger B. The cycling of iron in natural environments: Considerations based on laboratory studies of heterogeneous redox processes
   [J]. Geochimica et Cosmochimica Acta, 1992, 56(8): 3233-3257.
- [9] Konhauser K O, Planavsky N J, Hardisty D S, et al. Iron formations: A global record of Neoarchaean to Palaeoproterozoic environmental history [J]. Earth-Science Reviews, 2017, 172: 140-177.
- [10] Kappler A, Bryce C, Mansor M, et al. An evolving view on biogeochemical cycling of iron[J]. Nature Reviews Microbiology, 2021, 19(6): 360-374.
- [11] Huang J Z, Jones A, Waite T D, et al. Fe(II) redox chemistry in the environment[J]. Chemical Reviews, 2021, 121(13): 8161-8233.
- [12] Bird L J, Bonnefoy V, Newman D K. Bioenergetic challenges of microbial iron metabolisms [J]. Trends in Microbiology, 2011, 19(7): 330 -340.
- [13] Birchill A J, Hartner N T, Kunde K, et al. The eastern extent of seasonal iron limitation in the high latitude North Atlantic Ocean [J]. Scientific Reports, 2019, 9: 1435.
- [14] Kanzaki Y, Murakami T. Rate law of Fe(II) oxidation under low O<sub>2</sub> conditions[J]. Geochimica et Cosmochimica Acta, 2013, 123: 338-350.
- [15] Millero F J, Sotolongo S, Izaguirre M. The oxidation kinetics of Fe(II) in seawater[J]. Geochimica et Cosmochimica Acta, 1987, 51(4): 793 -801.
- [16] Johnson D B, Kanao T, Hedrich S. Redox transformations of iron at extremely low pH: Fundamental and applied aspects [J]. Frontiers in Microbiology, 2012, 3: 96.
- [17] Hedrich S, Schlömann M, Johnson D B. The iron-oxidizing proteobacteria [J]. Microbiology, 2011, 157(Pt 6): 1551-1564.
- [18] Bonnefoy V, Holmes D S. Genomic insights into microbial iron oxidation and iron uptake strategies in extremely acidic environments[J]. Environmental Microbiology, 2012, 14(7): 1597-1611.
- [19] Colmer A R, Temple K L, Hinkle M E. An iron-oxidizing bacterium from the acid drainage of some bituminous coal mines [J]. Journal of Bacteriology, 1950, 59(3): 317-328.
- [20] Zhang S, Yan L, Xing W J, et al. Acidithiobacillus ferrooxidans and its potential application [J]. Extremophiles, 2018, 22(4): 563-579.
- [21] Johnson D B. The biogeochemistry of biomining[M]//Geomicrobiology: Molecular and Environmental Perspective. Dordrecht: Springer Netherlands, 2010: 401-426.
- [22] Dave S R, Tipre D R. Diversity of iron and sulphur oxidizers in sulphide mine leachates [M]//Microbial Diversity in Ecosystem Sustainability and Biotechnological Applications. Singapore: Springer Singapore, 2019: 293-317.
- [23] Li J T, Cui J M, Yang Q H, et al. Oxidative weathering and microbial diversity of an inactive seafloor hydrothermal sulfide chimney [J]. Frontiers in Microbiology, 2017, 8: 1378.
- [24] Meier D V, Pjevac P, Bach W, et al. Microbial metal-sulfide oxidation in inactive hydrothermal vent chimneys suggested by metagenomic and metaproteomic analyses[J]. Environmental Microbiology, 2019, 21(2): 682-701.
- [25] McAllister S M, Moore R M, Gartman A, et al. The Fe(II)-oxidizing Zetaproteobacteria: Historical, ecological and genomic perspectives[J]. FEMS Microbiology Ecology, 2019, 95(4): 1-18.
- [26] Druschel G K, Emerson D, Sutka R, et al. Low-oxygen and chemical kinetic constraints on the geochemical niche of neutrophilic iron(II) oxidizing microorganisms[J]. Geochimica et Cosmochimica Acta, 2008, 72(14): 3358-3370.
- [27] Chan C S, Emerson D, Luther G W. The role of microaerophilic Fe-oxidizing micro-organisms in producing banded iron formations [J]. Geobiology, 2016, 14(5): 509-528.

- [28] Emerson D. Biogeochemistry and microbiology of microaerobic Fe(II) oxidation[J]. Biochemical Society Transactions, 2012, 40(6): 1211 -1216.
- [29] Suzuki T, Hashimoto H, Matsumoto N, et al. Nanometer-scale visualization and structural analysis of the inorganic/organic hybrid structure of Gallionella ferruginea twisted stalks[J]. Applied and Environmental Microbiology, 2011, 77(9): 2877-2881.
- [30] Comolli L R, Luef B, Chan C S. High-resolution 2D and 3D cryo-TEM reveals structural adaptations of two stalk-forming bacteria to an Fe-oxidizing lifestyle[J]. Environmental Microbiology, 2011, 13(11): 2915-2929.
- [31] Krepski S T, Emerson D, Hredzak-Showalter P L, et al. Morphology of biogenic iron oxides records microbial physiology and environmental conditions: Toward interpreting iron microfossils[J]. Geobiology, 2013, 11(5): 457-471.
- [32] Rentz J A, Turner I P, Ullman J L. Removal of phosphorus from solution using biogenic iron oxides [J]. Water Research, 2009, 43(7): 2029 -2035.
- [33] Engel H, Hanert H. Ispleirung von Gallionella ferruginea ehrenberg[J]. Naturwissenschaften, 1967, 54(6): 147.
- [34] Emerson D, Merrill Floyd M. Enrichment and isolation of iron oxidizing bacteria at neutral pH[M]//Methods in Enzymology. Amsterdam: Elsevier, 2005: 112-123.
- [35] Bryce C, Franz-Wachtel M, Nalpas N C, et al. Proteome response of a metabolically flexible anoxygenic phototroph to Fe(II) oxidation[J]. Applied and Environmental Microbiology, 2018, 84(16): e01166-e01118.
- [36] Jones C, Nomosatryo S, Crowe S A, et al. Iron oxides, divalent cations, silica, and the early earth phosphorus crisis [J]. Geology, 2015, 43 (2): 135-138.
- [37] Widdel F, Schnell S, Heising S, et al. Ferrous iron oxidation by anoxygenic phototrophic bacteria[J]. Nature, 1993, 362(6423): 834-836.
- [38] Ehrenreich A, Widdel F. Anaerobic oxidation of ferrous iron by purple bacteria, a new type of phototrophic metabolism [J]. Applied and Environmental Microbiology, 1994, 60(12): 4517-4526.
- [39] Kappler A, Pasquero C, Konhauser K O, et al. Deposition of banded iron formations by anoxygenic phototrophic Fe(II)-oxidizing bacteria[J]. Geology, 2005, 33(11): 865.
- [40] Manske A K, Glaeser J, Kuypers M M M, et al. Physiology and phylogeny of green sulfur bacteria forming a monospecific phototrophic assemblage at a depth of 100 meters in the Black Sea[J]. Applied and Environmental Microbiology, 2005, 71(12): 8049-8060.
- [41] Laufer K, Niemeyer A, Nikeleit V, et al. Physiological characterization of a halotolerant anoxygenic phototrophic Fe(II)-oxidizing green-sulfur bacterium isolated from a marine sediment[J]. FEMS Microbiology Ecology, 2017, 93(5): 1-13.
- [42] Hegler F, Posth N R, Jiang J, et al. Physiology of phototrophic iron(II)-oxidizing bacteria: Implications for modern and ancient environments
   [J]. FEMS Microbiology Ecology, 2008, 66(2): 250-260.
- [43] Strbak O, Dobrota D. Archean iron-based metabolism analysis and the photoferrotrophy-driven hypothesis of microbial magnetotaxis origin [J]. Geomicrobiology Journal, 2019, 36(3): 278-290.
- [44] Camacho A, Walter X A, Picazo A, et al. Photoferrotrophy: Remains of an ancient photosynthesis in modern environments [J]. Frontiers in Microbiology, 2017, 8: 323.
- [45] Llirós M, García-Armisen T, Darchambeau F, et al. Pelagic photoferrotrophy and iron cycling in a modern ferruginous basin [J]. Scientific Reports, 2015(1):13803.
- [46] Thompson K J, Kenward P A, Bauer K W, et al. Photoferrotrophy, deposition of banded iron formations, and methane production in Archean Oceans[J]. Science Advances, 2019, 5(11): eaav2869.
- [47] Melton E D, Schmidt C, Kappler A. Microbial iron(II) oxidation in littoral freshwater lake sediment: The potential for competition between phototrophic vs. nitrate-reducing iron(II)-oxidizers[J]. Frontiers in Microbiology, 2012, 3(197): 1-12.
- [48] Coby A J, Picardal F, Shelobolina E, et al. Repeated anaerobic microbial redox cycling of iron[J]. Applied and Environmental Microbiology, 2011, 77(17): 6036-6042.
- [49] Laufer K, Byrne J M, Glombitza C, et al. Anaerobic microbial Fe(II) oxidation and Fe(III) reduction in coastal marine sediments controlled by organic carbon content[J]. Environmental Microbiology, 2016, 18(9): 3159-3174.
- [50] Laufer K, Nordhoff M, Røy H, et al. Coexistence of microaerophilic, nitrate-reducing, and phototrophic Fe(Ⅱ) oxidizers and Fe(Ⅲ) reducers in coastal marine sediment[J]. Applied and Environmental Microbiology, 2015, 82(5): 1433-1447.
- [51] Jakus N, Blackwell N, Straub D, et al. Presence of Fe(II) and nitrate shapes aquifer-originating communities leading to an autotrophic enrichment dominated by an Fe(II)-oxidizing Gallionellaceae sp[J]. FEMS Microbiology Ecology, 2021, 97(11): 1-14.
- [52] Hafenbradl D, Keller M, Dirmeier R, et al. Ferroglobus placidus Gen. nov, sp. nov, a novel hyperthermophilic archaeum that oxidizes Fe<sup>2+</sup> at neutral pH under anoxic conditions[J]. Archives of Microbiology, 1996, 166(5): 308-314.
- [53] Brons H J, Hagen W R, Zehnder A J B. Ferrous iron dependent nitric oxide production in nitrate reducing cultures of Escherichia coli[J]. Archives of Microbiology, 1991, 155(4): 341-347.
- [54] Straub K L, Benz M, Schink B, et al. Anaerobic, nitrate-dependent microbial oxidation of ferrous iron [J]. Applied and Environmental Microbiology, 1996, 62(4): 1458-1460.

- [55] Blöthe M, Roden E E. Composition and activity of an autotrophic Fe(II) -oxidizing, nitrate-reducing enrichment culture[J]. Applied and Environmental Microbiology, 2009, 75(21): 6937-6940.
- [56] Huang Y M, Straub D, Kappler A, et al. A novel enrichment culture highlights core features of microbial networks contributing to autotrophic Fe(II) oxidation coupled to nitrate reduction[J]. Microbial Physiology, 2021, 31(3): 280-295.
- [57] Jakus N, Blackwell N, Osenbrück K, et al. Nitrate removal by a novel lithoautotrophic nitrate-reducing, iron(II)-oxidizing culture enriched from a pyrite-rich limestone aquifer[J]. Applied and Environmental Microbiology, 2021, 87(16): e0046021.
- [58] Carlson H K, Clark I C, Blazewicz S J, et al. Fe(II) oxidation is an innate capability of nitrate-reducing bacteria that involves abiotic and biotic reactions[J]. Journal of Bacteriology, 2013, 195(14): 3260-3268.
- [59] Nikeleit V, Mellage A, Bianchini G, et al. Inhibition of photoferrotrophy by nitric oxide in ferruginous environments [J/OL]. https://doi.org/ 10.31223/X5X860.
- [60] Price A, Pearson V K, Schwenzer S P, et al. Nitrate-dependent iron oxidation: A potential Mars metabolism [J]. Frontiers in Microbiology, 2018, 9: 513.
- [61] He S M, Barco R A, Emerson D, et al. Comparative genomic analysis of neutrophilic iron(II) oxidizer genomes for candidate genes in extracellular electron transfer[J]. Frontiers in Microbiology, 2017, 8: 1584.
- [62] Cooper R E, Wegner C E, Kügler S, et al. Iron is not everything: Unexpected complex metabolic responses between iron-cycling microorganisms
   [J]. The ISME Journal, 2020, 14(11): 2675-2690.
- [63] Ingledew W J. Thiobacillus ferrooxidans the bioenergetics of an acidophilic chemolithotroph [J]. Biochimica et Biophysica Acta (BBA) Reviews on Bioenergetics, 1982, 683(2): 89-117.
- [64] Martinez P, Vera M, Bobadilla-Fazzini R A. Omics on bioleaching: Current and future impacts [J]. Applied Microbiology and Biotechnology, 2015, 99(20): 8337-8350.
- [65] Ilbert M, Bonnefoy V. Insight into the evolution of the iron oxidation pathways [J]. Biochimica et Biophysica Acta (BBA) Bioenergetics, 2013, 1827(2): 161-175.
- [66] Quatrini R, Appia-Ayme C, Denis Y, et al. Extending the models for iron and sulfur oxidation in the extreme acidophile Acidithiobacillus ferrooxidans[J]. BMC Genomics, 2009, 10: 394.
- [67] McAllister S M, Polson S W, Butterfield D A, et al. Validating the Cyc2 neutrophilic iron oxidation pathway using meta-omics of Zetaproteobacteria iron mats at marine hydrothermal vents[J]. mSystems, 2020, 5(1): e00553-e00519.
- [68] He S M, Tominski C, Kappler A, et al. Metagenomic analyses of the autotrophic Fe(II)-oxidizing, nitrate-reducing enrichment culture KS[J].
   Applied and Environmental Microbiology, 2016, 82(9): 2656-2668.
- [69] Le C Nicolle J, Simmons S, Bathe S, et al. Ferrous iron oxidation and rusticyanin in halotolerant, acidophilic 'Thiobacillus prosperus' [J]. Microbiology (Reading, England), 2009, 155(Pt 4): 1302-1309.
- [70] Singer S W, Erickson B K, VerBerkmoes N C, et al. Posttranslational modification and sequence variation of redox-active proteins correlate with biofilm life cycle in natural microbial communities [J]. The ISME Journal, 2010, 4(11): 1398-1409.
- [71] Jeans C, Singer S W, Chan C S, et al. Cytochrome 572 is a conspicuous membrane protein with iron oxidation activity purified directly from a natural acidophilic microbial community[J]. The ISME Journal, 2008, 2(5): 542-550.
- [72] Dinarieva T Y, Zhuravleva A E, Pavlenko O A, et al. Ferrous iron oxidation in moderately thermophilic acidophile Sulfobacillus sibiricus N1(T)
   [J]. Canadian Journal of Microbiology, 2010, 56(10): 803-808.
- [73] Dopson M, Baker-Austin C, Bond P L. Analysis of differential protein expression during growth states of Ferroplasma strains and insights into electron transport for iron oxidation[J]. Microbiology (Reading, England), 2005, 151(Pt 12): 4127-4137.
- [74] Bathe S, Norris P R. Ferrous iron- and sulfur-induced genes in sulfolobus metallicus [J]. Applied and Environmental Microbiology, 2007, 73 (8): 2491-2497.
- [75] Auernik K S, Kelly R M. Identification of components of electron transport chains in the extremely thermoacidophilic crenarchaeon Metallosphaera sedula through iron and sulfur compound oxidation transcriptomes[J]. Applied and Environmental Microbiology, 2008, 74(24): 7723-7732.
- [76] Barco R A, Emerson D, Sylvan J B, et al. New insight into microbial iron oxidation as revealed by the proteomic profile of an obligate iron-oxidizing chemolithoautotroph[J]. Applied and Environmental Microbiology, 2015, 81(17): 5927-5937.
- [77] Kato S, Ohkuma M, Powell D H, et al. Comparative genomic insights into ecophysiology of neutrophilic, microaerophilic iron oxidizing bacteria
   [J]. Frontiers in Microbiology, 2015, 6: 1265.
- [78] Percak-Dennett E, He S, Converse B, et al. Microbial acceleration of aerobic pyrite oxidation at circumneutral pH[J]. Geobiology, 2017, 15 (5): 690-703.
- [79] Mumford A C, Adaktylou I J, Emerson D. Peeking under the iron curtain: Development of a microcosm for imaging the colonization of steel surfaces by mariprofundus sp. strain DIS-1, an oxygen-tolerant Fe-oxidizing bacterium [J]. Applied and Environmental Microbiology, 2016, 82 (22): 6799-6807.
- [80] Keffer J L, McAllister S M, Garber A I, et al. Iron oxidation by a fused cytochrome-porin common to diverse iron-oxidizing bacteria[J]. mBio,

2021, 12(4): e0107421.

- [81] Bose A, Newman D K. Regulation of the phototrophic iron oxidation (pio) genes in Rhodopseudomonas palustris TIE-1 is mediated by the global regulator, FixK[J]. Molecular Microbiology, 2011, 79(1): 63-75.
- [82] Bose A, Gardel E J, Vidoudez C, et al. Electron uptake by iron-oxidizing phototrophic bacteria[J]. Nature Communications, 2014, 5: 3391.
- [83] Jiao Y Q, Newman D K. The pio operon is essential for phototrophic Fe(II) oxidation in Rhodopseudomonas palustris TIE-1[J]. Journal of Bacteriology, 2007, 189(5): 1765-1773.
- [84] Saraiva I H, Newman D K, Louro R O. Functional characterization of the FoxE iron oxidoreductase from the photoferrotroph *Rhodobacter ferrooxi*dans SW<sub>2</sub>[J]. Journal of Biological Chemistry, 2012, 287(30): 25541-25548.
- [85] Pereira L, Saraiva I H, Oliveira A S F, et al. Molecular structure of FoxE, the putative iron oxidase of *Rhodobacter ferrooxidans* SW<sub>2</sub>[J]. Biochimica et Biophysica Acta (BBA) - Bioenergetics, 2017, 1858(10): 847-853.
- [86] Croal L R, Jiao Y, Kappler A, et al. Phototrophic Fe(II) oxidation in an atmosphere of H2: Implications for Archean banded iron formations [J]. Geobiology, 2009, 7(1): 21-24.
- [87] Bryce C, Blackwell N, Straub D, et al. Draft genome sequence of *Chlorobium* sp. strain N1, a marine Fe(II)-oxidizing green sulfur bacterium
   [J]. Microbiology Resource Announcements, 2019, 8(18): e00080-e00019.
- [88] Crowe S A, Hahn A S, Morgan-Lang C, et al. Draft genome sequence of the pelagic photoferrotroph *Chlorobium phaeoferrooxidans*[J]. Genome Announcements, 2017, 5(13): e01584-e01516.
- [89] Huang Y M, Straub D, Blackwell N, et al. Meta-omics reveal Gallionellaceae and Rhodanobacter species as interdependent key players for Fe(II) oxidation and nitrate reduction in the autotrophic enrichment culture KS [J]. Applied and Environmental Microbiology, 2021, 87 (15): e0049621.
- [90] Liu T X, Chen D D, Luo X B, et al. Microbially mediated nitrate-reducing Fe(II) oxidation: Quantification of chemodenitrification and biological reactions[J]. Geochimica et Cosmochimica Acta, 2019, 256: 97-115.
- [91] Jamieson J, Prommer H, Kaksonen A H, et al. Identifying and quantifying the intermediate processes during nitrate-dependent iron(II) oxidation
   [J]. Environmental Science & Technology, 2018, 52(10): 5771-5781.
- [92] Klueglein N, Zeitvogel F, Stierhof Y D, et al. Potential role of nitrite for abiotic Fe(II) oxidation and cell encrustation during nitrate reduction by denitrifying bacteria[J]. Applied and Environmental Microbiology, 2014, 80(3): 1051-1061.
- [93] Klueglein N, Kappler A. Abiotic oxidation of Fe(II) by reactive nitrogen species in cultures of the nitrate-reducing Fe(II) oxidizer Acidovorax sp. BoFeN<sub>1</sub>-questioning the existence of enzymatic Fe(II) oxidation[J]. Geobiology, 2013, 11(2): 180-190.
- [94] Carlson H K, Clark I C, Melnyk R A, et al. Toward a mechanistic understanding of anaerobic nitrate-dependent iron oxidation: Balancing electron uptake and detoxification [J]. Frontiers in Microbiology, 2012, 3: 57.
- [95] Dopffel N, Jamieson J, Bryce C, et al. Temperature dependence of nitrate-reducing Fe(II) oxidation by Acidovorax strain BoFeN<sub>1</sub>-evaluating the role of enzymatic vs. abiotic Fe(II) oxidation by nitrite[J]. FEMS Microbiology Ecology, 2021, 97(12): fiab155.
- [96] Eguchi J, Seales J, Dasgupta R. Great Oxidation and Lomagundi events linked by deep cycling and enhanced degassing of carbon [J]. Nature Geoscience, 2020, 13(1): 71-76.
- [97] Planavsky N J, Asael D, Hofmann A, et al. Evidence for oxygenic photosynthesis half a billion years before the Great Oxidation Event[J]. Nature Geoscience, 2014, 7(4): 283-286.
- [98] Catling D C, Zahnle K J. The Archean atmosphere[J]. Science Advances, 2020, 6(9): eaax1420.
- [99] Canfield D E, Poulton S W, Knoll A H, et al. Ferruginous conditions dominated later neoproterozoic deep-water chemistry [J]. Science, 2008, 321(5891): 949-952.
- [100] Crowe S A, Paris G, Katsev S, et al. Sulfate was a trace constituent of Archean seawater [J]. Science, 2014, 346(6210): 735-739.
- [101] Luo G M, Ono S, Beukes N J, et al. Rapid oxygenation of Earth's atmosphere 2.33 billion years ago[J]. Science Advances, 2016, 2 (5): e1600134.
- [102] Lyons T W, Reinhard C T, Planavsky N J. The rise of oxygen in Earth's early ocean and atmosphere [J]. Nature, 2014, 506(7488): 307 -315.
- [103] Poulton S W, Canfield D E. Ferruginous conditions: A dominant feature of the ocean through earth's history[J]. Elements, 2011, 7(2): 107 -112.
- [104] Planavsky N J, McGoldrick P, Scott C T, et al. Widespread iron-rich conditions in the mid-Proterozoic ocean [J]. Nature, 2011, 477(7365): 448-451.
- [105] Planavsky N, Rouxel O, Bekker A, et al. Iron-oxidizing microbial ecosystems thrived in late Paleoproterozoic redox-stratified oceans [J]. Earth and Planetary Science Letters, 2009, 286(1/2); 230-242.
- [106] Bravidor J, Kreling J, Lorke A, et al. Effect of fluctuating oxygen concentration on iron oxidation at the pelagic ferrocline of a meromictic lake [J]. Environmental Chemistry, 2015, 12(6): 723.
- [107] Lepère C, Domaizon I, Hugoni M, et al. Diversity and dynamics of active small microbial eukaryotes in the anoxic zone of a freshwater meromic-

tic lake (pavin, France) [J]. Frontiers in Microbiology, 2016, 7: 130.

- [108] Crowe S A, Maresca J A, Jones C, et al. Deep-water anoxygenic photosythesis in a ferruginous chemocline [J]. Geobiology, 2014, 12(4): 322 -339.
- [109] Konhauser K O, Hamade T, Raiswell R, et al. Could bacteria have formed the Precambrian banded iron formations? [J]. Geology, 2002, 30 (12): 1079.
- [110] Czaja A D, Johnson C M, Beard B L, et al. Biological Fe oxidation controlled deposition of banded iron formation in the ca. 3770 Ma Isua Supracrustal Belt (West Greenland) [J]. Earth and Planetary Science Letters, 2013, 363: 192-203.
- [111] Klein C. Some Precambrian banded iron-formations (BIFs) from around the world: Their age, geologic setting, mineralogy, metamorphism, geochemistry, and origin[J]. The American Mineralogist, 2005, 90(10): 1473-1499.
- [112] Pecoits E, Smith M L, Catling D C, et al. Atmospheric hydrogen peroxide and Eoarchean iron formations[J]. Geobiology, 2015, 13(1): 1-14.
- [113] Konhauser K O, Amskold L, Lalonde S V, et al. Decoupling photochemical Fe(II) oxidation from shallow-water BIF deposition [J]. Earth and Planetary Science Letters, 2007, 258(1/2): 87-100.
- [114] Walker J C G. Was the archaean biosphere upside down? [J]. Nature, 1987, 329(6141): 710-712.
- [115] Kappler A, Newman D K. Formation of Fe(II)-minerals by Fe(II)-oxidizing photoautotrophic bacteria [J]. Geochimica et Cosmochimica Acta, 2004, 68(6): 1217-1226.
- [116] Chi Fru E, Ivarsson M, Kilias S P, et al. Fossilized iron bacteria reveal a pathway to the biological origin of banded iron formation [J]. Nature Communications, 2013, 4: 2050.
- [117] Singh V K, Chaudhari A K, Notarte K I R, et al. Chapter 11-Metal-oxidizing microbes and potential application in bioremediation [A]. Microbe Mediated Remediation of Environmental Contaminants [M]. Kumar A, Singh V K, Singh P, et al. Woodhead Publishing, Cambridge. 2021, 107-114.
- [118] Peiffer S, Kappler A, Haderlein S B, et al. A biogeochemical-hydrological framework for the role of redox-active compounds in aquatic systems
   [J]. Nature Geoscience, 2021, 14(5): 264-272.
- [119] Borch T, Kretzschmar R, Kappler A, et al. Biogeochemical redox processes and their impact on contaminant dynamics [J]. Environmental Science & Technology, 2010, 44(1): 15-23.
- [120] Sowers T D, Harrington J M, Polizzotto M L, et al. Sorption of arsenic to biogenic iron (oxyhydr) oxides produced in circumneutral environments
   [J]. Geochimica et Cosmochimica Acta, 2017, 198: 194-207.
- [121] Whitaker A, Duckworth O. Cu, Pb, and Zn sorption to biogenic iron (oxyhydr) oxides formed in circumneutral environments [J]. Soil Systems, 2018, 2(2): 18.
- [122] Katsoyiannis I A, Zouboulis A I. Application of biological processes for the removal of arsenic from groundwaters[J]. Water Research, 2004, 38(1): 17-26.
- [123] Ahoranta S H, Kokko M E, Papirio S, et al. Arsenic removal from acidic solutions with biogenic ferric precipitates [J]. Journal of Hazardous Materials, 2016, 306: 124-132.
- [124] Buliauskaitė R, Wilfert P, Suresh Kumar P, et al. Biogenic iron oxides for phosphate removal [J]. Environmental Technology, 2020, 41(2): 260-266.
- [125] Su J F, Shi J X, Huang T L, et al. Effect of nitrate concentration, pH, and hydraulic retention time on autotrophic denitrification efficiency with Fe(II) and Mn(II) as electron donors[J]. Water Science & Technology, 2016, 74(5): 1185-1192.
- [126] Zhang X X, Li A, Szewzyk U, et al. Improvement of biological nitrogen removal with nitrate-dependent Fe(II) oxidation bacterium Aquabacterium parvum B6 in an up-flow bioreactor for wastewater treatment[J]. Bioresource Technology, 2016, 219: 624-631.
- [127] Kiskira K, Papirio S, van Hullebusch E D, et al. Fe(II)-mediated autotrophic denitrification: A new bioprocess for iron bioprecipitation/ biorecovery and simultaneous treatment of nitrate-containing wastewaters[J]. International Biodeterioration & Biodegradation, 2017, 119: 631-648.
- [128] Miot J, Recham N, Larcher D, et al. Biomineralized α-Fe<sub>2</sub>O<sub>3</sub>: Texture and electrochemical reaction with Li[J]. Energy & Environmental Science, 2014, 7(1): 451-460.
- [129] Hatami-Giklou Jajan L, Hosseini S N, Ghorbani M, et al. Effects of environmental conditions on high-yield magnetosome production by magnetospirillum gryphiswaldense MSR-1[J]. Iranian Biomedical Journal, 2019, 23(3): 209-219.
- [130] Quatrini R, Jedlicki E, Holmes D S. Genomic insights into the iron uptake mechanisms of the biomining microorganism Acidithiobacillus ferrooxidans[J]. Journal of Industrial Microbiology and Biotechnology, 2005, 32(11): 606-614.
- [131] Liu W B, Wu H Y, Liu X D, et al. Influence of different Fe sources and concentrations on formation of magnetosomes in Acidithiobacillus ferrooxidans[J]. Transactions of Nonferrous Metals Society of China, 2008, 18(6): 1379-1385.
- [132] Gu T Y, Rastegar S O, Mousavi S M, et al. Advances in bioleaching for recovery of metals and bioremediation of fuel ash and sewage sludge
   [J]. Bioresource Technology, 2018, 261: 428-440.

- [133] Mishra D, Kim D J, Ralph D E, et al. Bioleaching of vanadium rich spent refinery catalysts using sulfur oxidizing lithotrophs[J]. Hydrometallurgy, 2007, 88(1/2/3/4): 202-209.
- [134] Gu W H, Bai J F, Lu L, et al. Improved bioleaching efficiency of metals from waste printed circuit boards by mechanical activation [J]. Waste Management, 2019, 98: 21-28.
- [135] Tapia J, Dueñas A, Cheje N, et al. Bioleaching of heavy metals from printed circuit boards with an acidophilic iron-oxidizing microbial consortium in stirred tank reactors [J]. Bioengineering, 2022, 9(2): 79.
- [136] Becci A, Amato A, Fonti V, et al. An innovative biotechnology for metal recovery from printed circuit boards[J]. Resources, Conservation and Recycling, 2020, 153: 104549.
- [137] Liang G B, Tang J H, Liu W P, et al. Optimizing mixed culture of two acidophiles to improve copper recovery from printed circuit boards (PCBs)[J]. Journal of Hazardous Materials, 2013, 250/251: 238-245.
- [138] Wei X C, Liu D F, Huang W L, et al. Simultaneously enhanced Cu bioleaching from E-wastes and recovered Cu ions by direct current electric field in a bioelectrical reactor[J]. Bioresource Technology, 2020, 298: 122566.
- [139] Wu W J, Liu X C, Zhang X, et al. Bioleaching of copper from waste printed circuit boards by bacteria-free cultural supernatant of iron-sulfuroxidizing bacteria[J]. Bioresources and Bioprocessing, 2018, 5(1): 1-13.
- [140] Arshadi M, Yaghmaei S, Mousavi S M. Optimal electronic waste combination for maximal recovery of Cu-Ni-Fe by Acidithiobacillus ferrooxidans
   [J]. Journal of Cleaner Production, 2019, 240; 118077.
- [141] Falagán C, Grail B M, Johnson D B. New approaches for extracting and recovering metals from mine tailings [J]. Minerals Engineering, 2017, 106: 71-78.
- [142] Jung H, Inaba Y, Jiang V, et al. Engineering polyhistidine tags on surface proteins of Acidithiobacillus ferrooxidans: Impact of localization on the binding and recovery of divalent metal cations[J]. ACS Applied Materials & Interfaces, 2022, 14(8): 10125-10133.

## Advances in Microbial Iron Oxidation and Its Application

HUANG Qiang<sup>1,2</sup>, LI Bao<sup>1,2</sup>, LIU Xiaoling<sup>1</sup>, GUO Yuan<sup>1</sup>, WANG Yanan<sup>1</sup>, HAO Likai<sup>1,3</sup>

(1. State Key Laboratory of Environmental Geochemistry, Institute of Geochemistry, CAS, Guiyang 550081, China;
2. University of Chinese Academy of Sciences, Beijing 100049, China; 3. CAS Center for Excellence in Quaternary Science and Global Change, Xi'an 710061, China)

Abstract: Iron ranks fourth in abundance among crustal elements and can be taken up by microbial assimilation as a biologically essential element or as an electron source in microbial metabolism. Microbially mediated iron oxidation is an important part of the iron cycle and thus drives the biogeochemical cycling of biogenic elements such as C, N, O and S in the environment, which is strongly associated with the emission or storage of carbon and nitrogen, the greenhouse effect, and fate of nutrients and toxic metals or metalloids. The microorganisms involved in Fe(II) oxidation can be classified into four groups based on their growth environment and electron acceptor status: acidophilic Fe(II) oxidizers, neutral microaerobic Fe(II) oxidizers, neutral anaerobic photosynthetic Fe(II) oxidizers and neutral anaerobic nitrate reducing Fe(II) oxidizers. A summary of the proposed mechanisms of electron transport in microorganisms involved in iron oxidation shows that they all share a common paradigm, that is, ferrous iron is oxidised on outer membrane cytochromes and the electrons obtained from ferrous iron are transmitted from the extracellular membrane through the periplasmic electron transport proteins to various proteins in the inner cell membrane for carbon sequestration and/or reduction of electron acceptors. The study of microorganisms involved in iron oxidation in modern environments has been widely applied to the evolution of early life on Earth, the bioremediation of environmental pollution as well as the synthesis of new materials and bioleaching. This paper reviews the microbial phylogenetic types and electron transfer mechanisms that mediate iron oxidation processes and describes their applications in geology, environment, materials and metallurgy. A great deal of work remains to be done on the isolation and identification of iron-oxidizing bacteria, the detailed analysis of iron-oxidizing metabolic pathways and their geochemical effects, the establishment and improvement of the iron-oxidizing microbiome database, and the application of iron oxidation in environmental pollution.

Key words: iron oxidizers; electron transfer mechanisms; early evolution of life; bioremediation